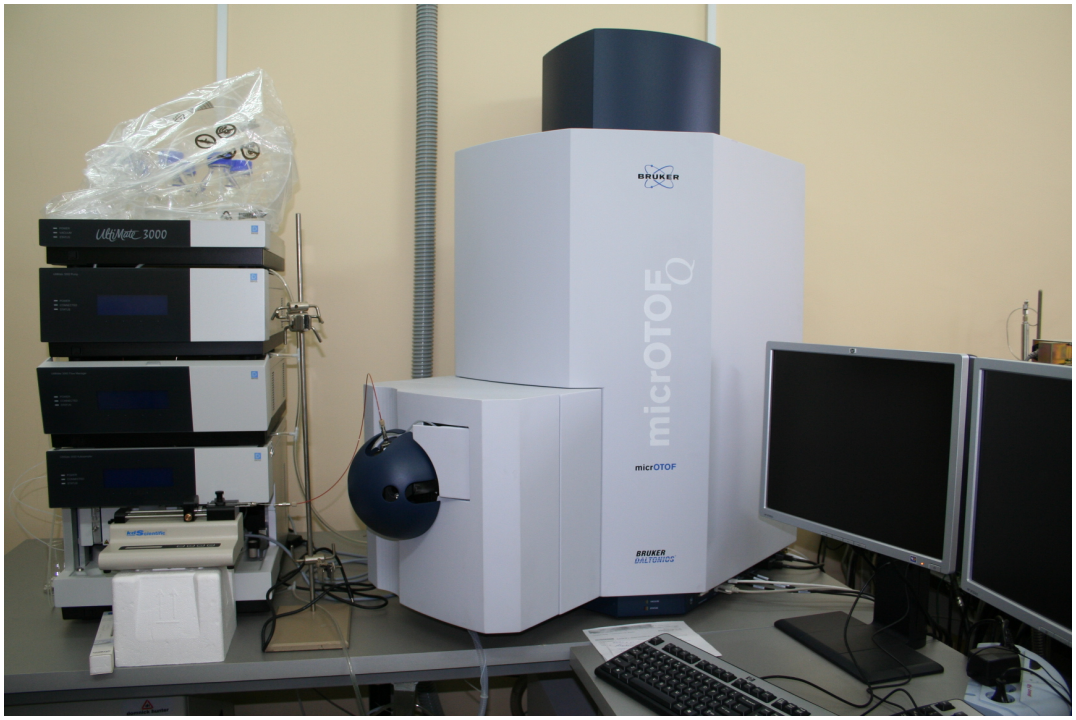
There are no translations available.



МС/МС производительность Сочетая уникальные особенности времяпролетного масс-спектрометра micrOTOF - отличную точность определения массы и превосходную разрешающую способность, превышающую 17,5000 - с возможностью получения МС/МС данных, micrOTOF-Q II позволяет проводить de novo секвинирование пептидов и даже определение пост-трансляционных модификаций. Надежность результатов протеомных исследований гарантируется точностью определения молекулярных масс и структурным анализом малых молекул.

Определение формул Комбинация точного определения масс с погрешностью не более 2-5 ppm, высокого разрешения более 17,500 FWHM и технологии точного изотопного распределения (TIP) позволяет micrOTOF-Q II быть инструментом для точного определения молекулярных формул. Точное изотопное распределение (TIP) применяется и для исходных молекул, и для фрагментов ионов, что является необходимым условием для точного определения формул методом масс-спектрометрии.

Качественное и количественное определение белков Квадруполь-времяпролетны е (ESI-Qq-TOF) масс-спектрометры серии micrOTOF-Q II идеальны для определения белковых последовательностей в протеомных исследованиях. Великолепная точность определения масс и высочайшее разрешение на всем массовом диапазоне позволяют применять стандартные подходы для получения надежных результатов. Высочайшая чувствительность достигается благодаря уникальной технологии ионных воронок. Комплексное программное решение WARP-LC существенно облегчает работу количественного определения методом стабильных изотопов (SILE).

Идентификация метаболитов Предсказание и идентификация метаболитов и малых молекул обеспечивается посредством программного обеспечения MetaboliteTools™,

позволяющего детально оценить пробу или партию проб основываясь на сложном алгоритме сравнения eXpose™ и точности определения масс, свойственной micrOTOF-Q II. MetaboliteTools предлагает варианты возможных метаболитов, основываясь на структуре лекарственного препарата, и сравнивает с ВЭЖХ-МС данными, доступными о ранее известных метаболитах.